

máximo el riesgo de error de transcripción u otro relacionado con el número de muestras y numerosos pasos manuales durante el proceso, que permitan procesar mayor número de muestra en menor tiempo que la plataforma manual, en el Laboratorio de Referencia Nacional de VIH/SIDA en el Instituto Nacional de Salud, Perú.

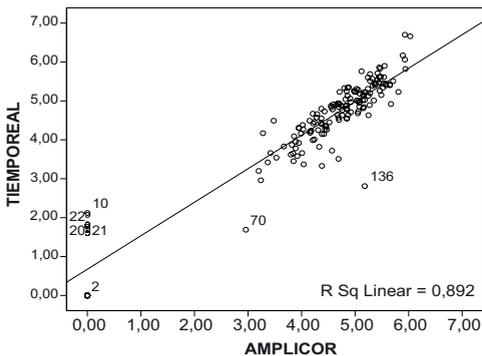


Figura 1. Correlación entre las técnicas Amplicor y el tiempo real

Conclusiones

- Las dos técnicas para cuantificación de carga viral; método Amplicor HIV-1 Monitor V. 1.5 y Método COBAS Ampliprep/COBAS TaqMan HIV-1 muestran un alto nivel de correlación.

CONDICIONES DE LOS ESTABLECIMIENTOS QUE PREPARAN ALIMENTOS, DE LOS PROGRAMAS DE ASISTENCIA ALIMENTARIA EN DEPARTAMENTOS DEL PERÚ

Saraí Valdivia Zapana², César Legua Castilla²

Introducción

En los últimos tiempos las enfermedades de transmisión alimentaria o intoxicaciones

alimentarias, constituyen uno de los problemas de salud pública más significativo, tanto en los países desarrollados como en los países en desarrollo, se reconoce la importancia de sus repercusiones sobre la salud y la economía. Las enfermedades de transmisión alimentaria se producen como consecuencia del consumo de alimentos contaminados por agentes patógenos como virus, bacterias u hongos.

Según la Organización Mundial de la Salud (OMS), cada año mueren 1,8 millones de personas como consecuencia de enfermedades diarreicas, teniendo en cuenta que la mayoría de las enfermedades transmitidas por los alimentos son prevenibles si se manipulan y preparan apropiadamente. Entre la sintomatología que las caracteriza se puede mencionar a las náuseas, vómitos, diarrea, espasmos abdominales y, en ocasiones, fiebre.

Objetivos

Describir las condiciones de los establecimientos en donde se prepara los alimentos de programas de asistencia alimentaria.

Material y métodos

Se realizó un estudio observacional y descriptivo, se incluyó 1191 establecimientos de preparación de alimentos del Programa Wawa Wasi (108 establecimientos) y Vaso de Leche (1083 establecimientos), los cuales se distribuyen de la siguiente forma: Ancash (188 establecimientos), Callao (un establecimiento), Huancavelica (27 establecimientos), La Libertad (187 establecimientos), Lambayeque (741 establecimientos), Lima (15 establecimientos), Piura (7 establecimientos), San Martín (10 establecimientos) y Ucayali (15 establecimientos). Se utilizó el Formulario

² Dirección Ejecutiva de Ciencia y Tecnología del Centro Nacional de Alimentación y Nutrición

INS -PRT CENAN. Las observaciones para detectar los problemas sanitarios nutricionales se realizaron en las operaciones preliminares y definitivas de preparación y en la forma de servir las raciones. Las observaciones fueron dirigidas a los aspectos de inocuidad pero referido a la calidad nutricional. Se empleó programa estadístico SPSS versión 15.0

Resultados

En 45% del total de los establecimientos evaluados se observó que el personal que prepara los alimentos carece de control médico vigente; 30,2% de los establecimientos no poseen pisos fáciles de limpiar y se observa grietas y perforaciones. El 15,4% de los establecimientos no tienen espacio suficiente para la preparación de los alimentos, 13,0% de los establecimientos tienen plagas de insectos o presencia de animales domésticos, 10,6% de los establecimientos no poseen equipos de limpieza y 8,4% de los establecimientos evaluados no tienen personal capacitado en buenas prácticas de higiene y manipulación de alimentos.

Conclusiones

- Existen condiciones poco adecuadas en los establecimientos en donde se preparan los alimentos de programas de asistencia alimentaria.
- El personal manipulador de los establecimientos carece de capacitación en buenas prácticas de preparación de alimentos.
- El personal manipulador de los establecimientos no realiza un control de su salud permanente.

ESTANDARIZACIÓN DE TÉCNICAS MOLECULARES PARA TIPIFICACIÓN MOLECULAR DE *TRYPANOSOMA CRUZI*

Silvia Seraylán Ormachea³, Carlos Padilla Rojas⁴

Introducción

En la actualidad se sabe que el protozoo *Trypanosoma cruzi*, causante de la tripanosomiasis, deriva de múltiples linajes clonales y muestran una amplia diversidad genética como resultado de una propagación con poco o ningún intercambio genético.

En estudios previos de genética de población del parásito, empleando diferentes aproximaciones como la determinación de zimodemos, esquizodemos y otras técnicas moleculares que mostraban una amplia variabilidad genética, sin embargo, no correlacionaban con diferencias en el comportamiento infectivo y otras características biológicas del parásito.

Objetivo

Estandarizar la amplificación por PCR de las secuencias de ADN de *Trypanosoma cruzi* del gen 24S □ del RNA ribosomal (con amplificación de 125 y 110 pb) y del gen de la región intergénica del mini exón, (con amplificación 300 y 350 pb) para los linajes 1 y 2 respectivamente, con el objetivo de establecer la posible existencia de linajes diferentes de *Trypanosoma cruzi* en las regiones geográficas del sur y norte de nuestro país.

Material y Métodos

Se empleó *stocks* de cepas criopreservadas de *Trypanosoma cruzi* mantenidas en el Laboratorio de Reactivos de Diagnóstico; una de la región

3 Centro Nacional de Productos Biológicos

4 Centro Nacional de Salud Pública